

МИНИСТЕРСТВО СЕЛЬСКОГО ХОЗЯЙСТВА РОССИЙСКОЙ
ФЕДЕРАЦИИ
Федеральное государственное бюджетное образовательное
учреждение
высшего профессионального образования
«КУБАНСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ АГРАРНЫЙ
УНИВЕРСИТЕТ»

Курс лекций

СОВРЕМЕННЫЕ ТЕХНОЛОГИИ В СЕЛЕКЦИИ РАСТЕНИЙ

Для аспирантов по направлению: 35.06.01 - сельское хозяйство

Краснодар, 2015

Составитель: С.В. Гончаров

Современные технологии в селекции растений: курс лекций /
сост. С.В. Гончаров. – Краснодар, 2015. – 19 с.

В методических указаниях изложен краткий курс лекций по дисциплине «Современные технологии в селекции растений» для аспирантов по направлению: 35.06.01 - сельское хозяйство.

Рассмотрено и одобрено методической комиссией агрономического факультета Кубанского государственного аграрного университета, протокол № ____ от ____ . ____ .2015 г.

Председатель
методической комиссии

В.П. Василько

© Гончаров С.В., 2015
© ФГБОУ ВПО «Кубанский
государственный аграрный
университет», 2015

Содержание

1 Цель и задачи дисциплины.....	4
2 Содержание дисциплины.....	5
3. Вопросы для контроля.....	15
4. Основная, дополнительная и нормативная литература.....	18

1 Цель и задачи дисциплины

«Современные технологии в селекции растений» являются теоретической основой формирования знаний и практических навыков по селекции сельскохозяйственных культур.

Дисциплина «Современные технологии в селекции растений» входит в число учебных дисциплин по выбору.

Преподавание дисциплины «Современные технологии в селекции растений» строится исходя из требуемого уровня базовой подготовки в области селекции сельскохозяйственных культур. Конечная цель изучения дисциплины - формирование у аспирантов твердых теоретических знаний и практических навыков по селекционной технологии важнейших сельскохозяйственных культур с учетом их генетических особенностей.

В системе профессиональной подготовки аспирантов в области селекции дисциплина «Современные технологии в селекции растений» занимает ведущее место, является одной из профилирующих. Полученные аспирантами знания являются итогом всего обучения по специальности, включающей в себя элементы всех ранее полученных знаний в области генетики, общей селекции, семеноводства и сортоведения

2 Содержание дисциплины.

Тематический план лекций представлен в таблице 1

Таблица 1

№ темы лекции	Наименование темы и план лекции
1	Генетика как научная основа селекции растений
2	Маркерная селекция
3	Маркерная селекция при создании аналогов
4	Гены количественных признаков
5	Хромосомная инженерия
6	Генетическая инженерия

Лекция 1. Генетика как научная основа селекции растений

Понятие о селекции и семеноводстве. Связь ее с другими науками. История и этапы развития селекции. Коллекционный, исходный материал и его значимость для практической селекции. Виды исходного материала и способы его получения (естественные популяции, гибридные популяции, самоопыленные (инцухт) линии, искусственные мутации и полиплоидные формы). Учение Н.И. Вавилова о центрах происхождения культурных растений. Макро и микроцентры происхождения и формирования культурных растений, их возникновение и значимость для развития

селекции и ее достижений. Понятие о сортах (селекционные, сорта – популяции, гибридные сорта, местные сорта).

Лекция 2. Маркерная селекция

Аллель – маркер генетического анализа. Геномика "видит" аллель как маркер физический – один из альтернативных вариантов последовательности нуклеотидов данного локуса. ДНК маркер это одновременно маркер и генотипа и фенотипа (как наблюдаемый вариант последовательности нуклеотидов).

Использование ДНК маркеров в селекции растений с помощью Маркер Опосредованной Селекции (МОС) может увеличить точность и эффективность селекции и приведет к ускорению создания новых сортов. В мире созданы десятки таких лабораторий, их необходимо создавать и в нашей стране.

Marker assisted selection (MAS) = Маркер Ориентированная Селекция (МОС). Преимущества в сравнении с традиционным скринингом по фенотипу.

Однотипна для всех видов, индивидов и локусов. Экономит время, усилия и ресурсы. Неразрушающий метод анализа. Данные для отбора м.б. получены из любой ткани и на любой стадии развития. Возможность удаления всех нецелевых индивидов и сохранения только целевых для дальнейшей работы после анализа (напр. на этапе проростков). Возможность отбора единичного растения и точное определение его генотипа, включая гомо или гетерозиготность.

20 программ MAS в США идут с 2001 года

Как знание генома модельного объекта помогает найти хозяйственно значимые гены и аллели на растении, важном для сельского хозяйства?

Пример:

В геноме риса найдены ортологи (гомологи) практически для всех генов, выявленных на модельном объекте (арабидопсис), как определяющие устойчивость к болезням или стрессовым условиям среды. Поскольку геном

риса секвенирован, то гены риса, выявленные биоинформатически по гомологии с генами арабидопсиса, сразу и без экспериментальной работы точно ложатся на физическую и генетическую карту риса, и сразу доступны в клонированном виде, поскольку их рек ДНК из конкретной пробирки была использована для сиквенса.

Лекция 3. Маркерная селекция при создании аналогов

Создание аналогов – неотъемлемая часть селекционной работы. Одна из самых рутинных и длительных процедур (занимает от трех лет при получении двух поколений за год до 6 лет и более) – осуществляется при помощи возвратных скрещиваний. Единственный метод селекции, дающий гарантированный результат. Применяется при создании стерильных аналогов, аналогов восстановителей фертильности, а также для придания существующему сорту (линии, гибриду) нового (обычно моногенного) признака, чаще всего устойчивости к какому-либо патогену или признака качества.

Использование маркера позволяет в самом простом случае (при наличии одного маркера – маркера гена переносимого признака) контролировать наличие нужного гена на ранних стадиях развития, выбраковывая ненужные особи сразу, и таким образом значительно уменьшив выборку и объем работ в целом.

Использование значительного количества маркеров, маркирующих большую часть генома сорта-реципиента, позволяет в принципе ограничиться двумя беккроссами и просто выбрать нужный вариант из большой выборки. В этом случае создание аналога может быть осуществлено за год-два.

Лекция 4. Гены количественных признаков

Полимерное взаимодействие генов (полимерия) – тип неаллельного взаимодействия генов, при котором разные локусы (гены) производят одинаковый или сходный фенотипический эффект. Такие гены, в свою

очередь, называют полимерными и обозначают одной латинской буквой с указанием индекса для разных генов: A_1 ; A_2 ; A_3 и т.д.

Полимерия делится на два класса – кумулятивная полимерия (при которой степень проявления признака зависит от количества доминантных полимерных генов, так как их действие суммируется) и некумулятивная полимерия, при которой достаточно одной доминантной аллели любого из генов, чтобы вызвать развитие признака.

Примером некумулятивного действия полигенов может служить наследование формы плода (стручка) у пастушьей сумки. У этого вида обычно встречаются растения с треугольной и очень редко – с яйцевидной формой плода. От скрещивания этих форм между собой в F_1 появляются растения, плоды у которых треугольной формы, а в F_2 наблюдается расщепление в отношении 15 : 1, так как яйцевидную форму стручка будет иметь единственный генотип из 16 в решетке Пеннета, не имеющий ни одной доминантной аллели ($a_1a_1a_2a_2$), а остальные 15/16 растений будут формировать стручки треугольной формы.

При тригибридном скрещивании расщепление при некумулятивной полимерии будет 63 : 1 (так как тригибрид будет давать восемь классов гамет, то решетка Пеннета будет состоять из 64 ячеек).

Действие полимерных генов при некумулятивной полимерии фактически определяет формирование привычных для нас по предыдущим главам альтернативных признаков. Такие признаки в генетике называются качественными. Цветок, например, может быть либо красным, либо белым (при неполном доминировании появляются еще и розовые цветки), и четко различаются между собой.

Однако такие четко различимые альтернативные формы существуют не для всех признаков. Признаки, которые можно измерить, подсчитать, взвесить называются количественными. Они контролируются многими генами, которые действуют суммирующе, эквивалентно. Примерами таких признаков могут служить высота растений, количество и масса плодов или семян, продолжительность вегетационного периода, длина колоса или метелки.

Для таких признаков характерна *непрерывная* изменчивость. Непрерывная изменчивость обусловлена, во-первых, *взаимодействием*

между различными генами и, во-вторых, взаимодействием между генами и окружающей средой (генотип \times среда).

Генетикой количественных признаков, к которым относятся большинство хозяйственно полезных занимается биометрическая генетика, широко использующая методы статистики.

Разделение на количественные и качественные признаки может быть достаточно условно. Например, если можно четко определить каждое растение в потомстве как карликовое, нормальной высоты или гигантское, можно анализировать признак «высота растения» как качественный, если нет и высота каждого растения будет выражена в сантиметрах – то как количественный.

При кумулятивной полимерии приходится иметь дело с количественными признаками, и степень выраженности признака зависит от количества доминантных аллелей любого из полимерных генов. По такому типу наследуются в основном все количественные признаки: высота растения, длина колоса, метелки или початка, урожайность, содержание белка или жира.

Изучая наследование перечисленных признаков, можно заметить, что F_1 характеризуется промежуточным фенотипом, а в F_2 образуется непрерывный вариационный ряд по внешнему проявлению данного признака, то есть нельзя выделить четких фенотипических классов, как при наследовании альтернативных признаков (красная или белая окраска цветка, гладкие или морщинистые формы семян у гороха).

Изменчивость количественного признака в отличие от альтернативного оценивается амплитудой его варьирования.

Рассмотрев составленную ранее решетку Пеннета с позиций кумулятивной полимерии, обнаружим, что классы с самой высокой ($A_1A_1A_2A_2$) и самой низкой степенью проявления признака ($a_1a_1a_2a_2$) составляют по 1/16 общего объема выборки каждая. При этом выделяются еще три класса: 4/16 составляют особи с тремя доминантными аллелями ($A_1A_1A_2a_2$ и $A_1a_1A_2A_2$), 6/16 – с двумя доминантными аллелями ($A_1A_1a_2a_2$; $a_1a_1A_2A_2$ и $A_1a_1A_2a_2$) и оставшиеся 4/16 – с одной доминантной аллелью ($A_1a_1a_2a_2$ и $a_1a_1A_2a_2$). Если построить гистограмму, отражающую характер изменчивости при кумулятивной полимерии, мы получим грубое подобие

колоколообразной кривой, при этом с увеличением числа действующих полимерных генов она будет приближаться к идеальной.

Кумулятивная полимерия убедительно описывает наследование многих количественных признаков. Непрерывная изменчивость объясняется большим количеством полимерных генов, контролирующих признак, а также малым эффектом действия каждой отдельной аллели, что приводит к сглаживанию границ между классами.

В основе большинства селекционных программ, направленных на увеличение или уменьшение количественных признаков, лежит идея получения трансгрессий – выщепления в потомстве гибридов особей с более сильным или слабым проявлением количественных признаков. Явление трансгрессии характерно для кумулятивной полимерии.

Таким образом, если скрещиваются две родительские формы, обладающие в равной степени каким-нибудь желательным признаком, то в результате расщепления в потомстве могут образовываться формы, превосходящие обоих родителей по этому признаку. Частота трансгрессивных форм зависит от числа полигенов, контролирующих признак: чем больше генов – тем меньше трансгрессивных форм.

Отрицательные трансгрессии нужны при селекции на сокращение вегетационного периода, высоты растений и т.д., положительные – в селекции на повышение урожайности, массы 1000 семян, колоса, содержания белка и других полезных веществ.

На современном этапе развития генетики широко используются QTL – ДНК-маркеры генов количественных признаков. При этом селекция на повышение урожайности строится по принципу маркерной селекции.

Лекция 5. Хромосомная инженерия

Отдаленная гибридизация (межродовые скрещивания). В селекции пшеницы используют межродовую гибридизацию. Еще на полях бывшей Саратовской опытной станции были обнаружены гибриды от спонтанного скрещивания пшеницы и ржи. Был районирован сорт пшеницы яровой мягкой Лютесценс 230, полученный от скрещивания с рожью. В настоящее время в селекции пшеницы широко используют ржано-лшеничную

транслокацию *1B/1R*, полученную от ржи через так называемый «тритикальный мостик», т. е. в результате тритикально-пшеничных скрещиваний (*AABBDD* × *AABBRR*, *AABB* × *AABBRR*).

Большой размах в 60—70-е годы XX в. приобрели работы по скрещиванию пшеницы мягкой и пырея [*E. intermedia* (Host) Nevski, *E. elongata*]. Под руководством Н. В. Цицина был создан ряд сортов — пшенично-пырейных гибридов: ППГ 599, ППГ 186 (озимые), Восток и др.

Пшеницу скрещивают также с различными видами эгилопса, элимусом, хайнальдией. Гибридизация с видами, отличающимися по числу хромосом от пшеницы, которые к тому же негомологичны ее хромосомам, в конечном счете приводит в результате расщепления к исходным родительским формам (то же наблюдается при межвидовых скрещиваниях внутри рода *Triticum*, если геномы родителей различны). Этот процесс ускоряется путем возвратных скрещиваний гибридов с пшеницей для преодоления бесплодия первого поколения и получения в потомстве большого числа форм, уклоняющихся в сторону пшеницы. Скрещивания ведут в расчете на интрогрессию отдельных генов или участка хромосомы родственного вида в геном пшеницы. Однако при гибридизации пшеницы мягкой с пыреем иногда возникают константные 56-хромосомные формы (42 хромосомы пшеницы и 14 хромосом пырея или по 28 хромосом того и другого вида), сочетающие явные признаки двух видов. Среди таких форм отобрана многолетняя пшеница.

Использование анеуплоидии. Получение у пшеницы мягкой (гексаплоидной) моносомных и нуллисомных линий открыло широкие перспективы для использования хромосомной инженерии в селекционных целях. Оказалось возможным замещать у какого-либо сорта пару хромосом гомологичными хромосомами другого сорта и даже хромосомами родственных видов (рожь, эгилопс), добавлять хромосому этих видов к геному пшеницы, а также добиваться путем транслокации включения сегментов хромосом других видов в хромосомы пшеницы.

Наиболее проста схема внутривидового замещения хромосом с использованием нуллисомиков (рис. 1.2). Процедура сводится к скрещиванию нуллисомика сорта-реципиента с донором и серии беккроссов для вытеснения ядерного материала донора с сохранением замещающей

хромосомы. Потомство каждого беккрасса подвергают цитологическому анализу, чтобы выделить для дальнейшей работы моносомик, который несет замещающую хромосому. Такой же анализ ведут для выделения дисомика с замещающими хромосомами в расщеплении после заключительного самоопыления.

Схема с использованием моносомиков сложнее (см. рис. 1.2), но применяется чаще, так как они более жизнеспособны, чем нуллисомики, у которых нередко проявляется мужская стерильность. При этом способе в расщепляющихся поколениях после каждого скрещивания следует отбирать моносомики, а в потомстве от их самоопыления — дисомики для дальнейшего скрещивания.

Схема может быть упрощена, если вместо моносомиков использовать монотелосомики, т. е. линии, у которых единственная хромосома представлена только одним плечом с центромерой. Это дает возможность распознать ее при цитологическом анализе и исключает необходимость самоопыления моносомиков в потомстве каждого скрещивания (см. рис. 1.2).

Замещение хромосом пшеницы мягкой хромосомами родственных видов осуществляют в два этапа. Вначале пару хромосом другого вида добавляют к хромосомному набору пшеницы, а затем производят замещение. Первый этап складывается из скрещивания пшеницы и другого вида и получения амфидиплоида путем удвоения числа хромосом гибрида. Затем скрещивают амфидиплоид с исходной формой пшеницы. В f_1 родственной пшенице вид представлен гаплоидным набором хромосом. При самоопылении можно отобрать растения с одной чужеродной хромосомой, а при самоопылении последних — с гомологичной парой. На этом первый этап заканчивается: линия с добавлением хромосом получена. Далее опыляют нуллисомик той же линии пыльцой линии с добавлением. В расщеплении могут быть отобраны растения, у которых отсутствующая пара хромосом нуллисомика замещена парой хромосом чужеродного вида. Линии пшеницы с добавлениями хромосом могут иметь самостоятельное селекционное значение. Однако следует иметь в виду, что дополнительные хромосомы при репродуцировании склонны к элиминации. Замещение пары хромосом пшеницы парой хромосом другого вида ведет к сильным

фенотипическим изменениям, во многом неблагоприятным с хозяйственной точки зрения. Гораздо более желателен обмен небольшого участка хромосомы пшеницы на сегмент хромосомы чужеродного вида, несущий ценные гены (транслокация). Этого можно добиться, используя для второго этапа замещения не нуллисомик той же линии, к хромосомам которой добавлена пара чужеродных хромосом, а моносомик. Тогда можно получить растения, у которых одна хромосома пшеницы сочетается с чужеродной. Если они частичные гомологи (гомеологи), то возможна транслокация хромосомных сегментов. Затем отбирают растения с такой транслокацией.

При использовании облучения вероятность транслокаций увеличивается. Она возрастает и в результате устранения хромосомы *5B*. Описанными методами были получены формы пшеницы мягкой, в хромосомы которых включены сегменты чужеродных видов, содержащие гены устойчивости к таким болезням, как бурая и желтая ржавчина, мучнистая роса. К таким формам относятся Трансфер, созданный известным американским генетиком Э. Сирсом, в одну из хромосом которой включен сегмент хромосомы *A. umbellulata*, Трансек — с сегментом ржи и др.

Лекция 6. Генетическая инженерия

Развитие методик молекулярной генетики. Полимеразная цепная реакция (ПЦР) является одним из наиболее широко используемых методов молекулярной биологии поскольку она позволяет быстро и с небольшими затратами материальных ресурсов и времени получить более 10 миллионов копий определенной последовательности ДНК, первоначально представленной всего несколькими молекулами.

Стартовым материалом для ПЦР может служить ДНК или РНК из различных источников, например, геномная ДНК, матричные РНК, плазмидная ДНК, клонированная ДНК, сами ПЦР-продукты, ДНК из клинического или архивного материала. Различные модификации метода ПЦР широко используются в различных областях биологии, медицины и криминалистики.

В селекции и семеноводстве сегодня это основной метод паспортизации селекционных достижений, определения генетической чистоты линий и гибридов различных культур, основа маркерной селекции.

Благодаря ПЦР можно надежно установить происхождение семенного материала, установить отцовство, идентифицировать любые органические следы.

Развитие генетической инженерии. Генетическая инженерия – совокупность техник, позволяющих направленно изменять генотип живого организма путем встраивания в его геном чужеродных генов. Эти гены могут быть искусственно синтезированы или взяты от других организмов, скрещивания с которыми обычным путем невозможны.

Организм, полученный с помощью генной инженерии, называется генетически модифицированным (ГМО). Целью создания ГМО является улучшение сельскохозяйственных растений, животных и микроорганизмов, невозможное методами традиционной селекции.

На сегодняшний день созданы генетически модифицированные сорта растений, устойчивые к системным гербицидам, вредителям и болезням, которые занимают очень существенные площади в мировом земледелии.

Основные этапы создания ГМО:

1. Получение изолированного гена.
2. Введение гена в вектор для переноса в организм.
3. Перенос вектора с геном в модифицируемый организм.
4. Преобразование клеток организма.
5. Отбор генетически модифицированных организмов и устранение тех, которые не были успешно модифицированы.

Чтобы встроить ген в вектор, используют ферменты — рестриктазы и лигазы. С помощью рестриктаз ген и вектор можно разрезать на кусочки. С помощью лигаз такие кусочки можно «склеивать», соединять в иной комбинации, конструируя новый ген или заключая его в вектор.

Техника введения генов в бактерии была разработана на основе бактериальной трансформации, открытой Ф. Гриффитом, в ходе которой осуществляется обмен плазмидами (небольшими фрагментами хромосомной ДНК). Плазмидные технологии легли в основу введения

искусственных генов в бактериальные клетки. Для введения готового гена в наследственный аппарат клеток растений и животных используется процесс трансфекции.

3. Вопросы для контроля.

1. Понятие о семеноводстве, селекции, сорте.
2. Генетическая структура сортов- линий, популяций, клонов, гибридов, синтетиков, чистых сортов, многолинейных сортов, сортосмесей.
3. Охарактеризовать требования, предъявляемые к сорту производством.
4. Особенности примитивной, народной и промышленной селекции. Основные этапы и достижения научной селекции. Раскрыть экономическую эффективность селекции и ее роль в системе биологических наук.
5. Понятие и классификация исходного материала. Ботаническая и эколого-географическая классификация, их значение для селекции.
6. Понятие о коллекции, научные основы ее сбора, способы хранения и использования. Понятие об интродукции растений.
7. Центры происхождения культурных растений.
8. Понятие о внутривидовой гибридизации и принципы подбора пар концепции сорта, концепция признака, концепция гена.
9. Методы скрещиваний: простые (парные, диаллельные) и сложные (тройные, двойные, ступенчатые, возвратные, конвергентные), их сущность, применяемость.
10. Методы при работе с поколениями внутривидовых гибридов, его сущность, достоинство, недостатки, применяемость.
11. Метод массовых популяций при работе с поколениями гибридов, его сущность, достоинства, недостатки.
12. Модификация метода педигри при работе с поколениями гибридов.
13. Понятие и классификация полиплоидии, роль в эволюции и селекции.

14. Автотетраплоидия: получение автотетраплоидов, особенности фенотипа, расщепление, примеры селекционного использования.
15. Триплоидия: получение триплоидов, особенности фенотипа, примеры использования.
16. Аллополиплоидия, роль в эволюции, использование в селекции.
17. Анэуплоидия, роль в эволюции и улучшении культурных растений.
18. Гаплоидия, роль в эволюции и селекции самоопылителей и перекрестников.
19. Методы индуцирования гаплоидов и культура пыльников.
20. Межвидовая гибридизация, понятие, задачи, использование.
21. Причины нескрещиваемости видов, пути их преодоления.
22. Особенности расщепления межвидовых гибридов.
23. Понятие и генетические основы гетерозиса. Типы гетерозисных гибридов.
24. Получение инбредных линий.
25. Понятие об общей и специфической комбинационной способности (ОКС и СКС).
26. Методы определения СКС (метод диаллельных скрещиваний).
27. Методика определения ОКС.
28. ЦМС и ее использование в селекции на гетерозис (на примере различных культур).
29. Понятие мутационного процесса и классификация мутаций.
30. Спонтанные мутации, их роль в эволюции и селекции.
31. Индуцированные мутации и их использование в селекции.
32. Классификация методов отбора.
33. Массовый отбор, его сущность, эффективность, применяемость.
34. Индивидуальный отбор у самоопылителей, его сущность, эффективность, применяемость.
35. Индивидуальный отбор у перекрестноопыляющихся культур без изоляции (семейный отбор).
36. Отбор с использованием метода половинок, его сущность, достоинства, недостатки, применяемость.
37. Индивидуально-семейственный отбор, сущность, применяемость.
38. Семейственно-групповой отбор у перекрестноопыляющихся культур.

39. Индивидуальный отбор с контролируемым опылением (метод В.С. Пустовойта).
40. Понятие об оценке селекционного материала. Классификация методов оценки.
41. Селекция и оценка сортов по продуктивности.
42. Селекция и оценка селекционного материала по продолжительности вегетационного периода и биологической устойчивости.
43. Понятие о засухоустойчивости растений. Типы засух и засухоустойчивости.
44. Прямые и косвенные методы оценки на засухоустойчивость.
45. Понятие о качестве продукции. Прямые и косвенные методы оценки на примере хлебопекарных качеств.
46. Селекция и оценка сортов на приспособленность к механизированному возделыванию и уборке.
47. Значение селекции растений на устойчивость к болезням и вредителям.
48. Понятие устойчивости и иммунитета растений к болезням.
49. Вертикальная и горизонтальная устойчивость, их сущность.
50. Условия, необходимые для правильной оценки селекционного материала на устойчивость к болезням.
51. Инфицированные фоны, значение для селекции, методы создания.
52. Методы учета при оценке устойчивости растений к болезням.
53. Основные принципы селекции и оценки сортов на устойчивость к вредителям.
54. Понятие о селекционном процессе, этапность, цикличность, продолжительность селекционного процесса.
55. Схема селекционного процесса для самоопылителей (классическая), роль и характеристика каждого звена.
56. Схема селекционного процесса для перекрестников (классическая), роль и характеристика каждого звена.
57. Схема селекционного процесса межлинейных гибридов (на примере кукурузы).
58. Схема селекционного процесса, разработанная акад. В.С. Пустовойтом.
59. Государственное сортоиспытание: задачи, методика.

4. Основная, дополнительная и нормативная литература

Основная

1. Пыльнев В.В. и др. Частная селекция полевых культур. – М: КолосС, 2005.
2. Гуляев Г.В. Частная селекция полевых культур. М., «Колос», 1985
3. Основные морфологические и апробационные признаки сортов и гибридов зерновых, зернобобовых, крупяных и масличных культур. Краснодар, «Советская Кубань», 2000

Дополнительная

1. Лещенко А.К., Михайлов В.Г., Сичкарь В.И. Селекция, семеноведение и семеноводство сои. М.: «Урожай», 1990 г.
2. Лукьяненко П.П. Избранные труды М.: Агропромиздат, 1990 г.
3. Пустовойт В.С. Избранные труды. М.: Агропромиздат, 1990 г.
4. Селекция и семеноводство зернобобовых культур. М.: «колос», 1981 г.
5. Эволюция научных технологий в растениеводстве. Том I, II, III, IV. Краснодар, 2004 г.
6. Югенхеймер Р.У. Кукуруза. М.: «Колос», 1979 г.
7. Каталог сортов риса селекции ВНИИ риса. – Краснодар 2007.

Курс лекций

СОВРЕМЕННЫЕ ТЕХНОЛОГИИ В СЕЛЕКЦИИ РАСТЕНИЙ

Составитель: Гончаров Сергей Владимирович

Подписано в печать _____ формат 60x84 ¹/₁₆.

Усл. печ. л. – _____ Уч.-изд. л. – _____

Тираж 50 экз. заказ № _____

Типография Кубанского государственного аграрного
университета.

350044, г. Краснодар, ул. Калинина, 13